2025/11/25 00:12 1/4 Help

Help

explor.an packages: MASS, vegan R Documentation

Função que realiza um conjunto de análises exploratórias a partir de dados quantitativos das espécies por paisagem e do gradiente numérico das variáveis ambientais.

Description:

Produz um data frame com o número total de indivíduos por paisagem, o número de

espécies/paisagem e as proporções de indivíduos e espécies por paisagem - que pode

ser escrito como um arquivo 'csv' no diretório de trabalho. Se @ usuari@ desejar a

função roda um modelo linear generalizado do número de indivíduos e espécies em

relação à variável ambiental da paisagens. A função também resulta em um gráfico da distribuição da abundância ponderada das espécies de acordo com

o gradiente da variável selecionada pel@ usuári@ das paisagens.

Usage:

explor.an(x, y, tabela=TRUE, graph=TRUE, glm=TRUE, family=poisson)

Arguments:

x: data frame com dados numéricos do número de espécies.

y: data frame com dados numéricos do gradiente da variável ambiental.

tabela: cria arquivo csv no diretório de trabalho.

graph: cria o gráfico de distribuição de espécies

glm: roda um glm com o número de indivíduos e espécies pela variável ambiental.

family: seleciona a família de distribuição dos dados

Details:

Necessário o pacote MASS para a função ser executada.

O número total de espécies por paisagem é calculado a partir de uma matrix binária

dos dados, que é transformada dentro da função.

O gráfico de distribuição das espécies é criado a partir da abundância ponderada das

espécies. Esta abundância é ordenada de maneira decrescente ao longo do gradiente

ambiental decrescente.

```
Value:
```

```
Um gráfico é gerado quando 'graph=TRUE'.
 Uma tabela em arquivo csv é criado se 'tabela=TRUE'.
 Um data frame é retornado com os valores do número de indivíduos, número de
espécies,
 proporção de indivíduos e de espécies, por paisagem.
 Quando glm='TRUE' são rodados dois modelos: um com o número de indivíduos e
outro com número de espécies
  pela variável ambiental selecionada.
Warning:
 Esta função realiza tarefas para fins exploratórios apenas.
 Se algum dos argumentos for inserido de forma incorreta a função não será
executada.
Author(s):
 Pâmela Friedemann
 pfriedemann@usp.br
References:
 R documentation.
 Rodolfo Dirzo, Hillary S. Young, Mauro Galetti, Gerardo Ceballos, Nick J.
B. Isaac,
 Ben Collen. Defaunation in the Anthropocene. Science 2014:401-406
 Pievani, T. The sixth mass extinction: Anthropocene and the human impact on
biodiversity.
 Rend. Fis. Acc. Lincei 2014: 85-93.
Examples:
#### Example 1 ####
# pacotes necessarios:
 # install.packages("vegan") # instalar vegan caso nao tenha
 library(vegan)
 # install.packages("MASS") # instalar MASS caso nao tenha
 library(MASS)
# dados especies
 data(dune)
```

http://ecor.ib.usp.br/ Printed on 2025/11/25 00:12

2025/11/25 00:12 3/4 Help

```
data(dune.env)
 x <- dune
             # dado numero de especies (colunas) por paisagem (linhas)
# dados ambientais:
 y <- dune.env # dados dos valores das variaveis ambientais (colunas) por
  # paisagem (linhas)
# funcao:
 explor.an(x,y$A1,tabela=T,graph=T,glm=T,gaussian)
##### Example 2 ####
# pacotes necessarios:
 # install.packages("vegan") # instalar vegan caso nao tenha
 library(vegan)
 # install.packages("MASS") # instalar MASS caso nao tenha
 library(MASS)
# dados especies:
 mat <- matrix(ncol=15,nrow=25)</pre>
 mat[1:12,] <- round(abs(replicate(15,rnorm(12,mean=3,sd=2))))</pre>
 mat[13:25,] <- round(abs(replicate(15,rnorm(13,mean=7,sd=4))))</pre>
 dado.sp <- data.frame(mat)</pre>
 pref <- "sp"
 suf < - seq(1:15)
 colnames(dado.sp) <- paste(pref, suf, sep="")</pre>
 rownames(dado.sp)<- letters[1:25]</pre>
# dados ambientais:
 dado.amb <- data.frame( # dados dos valores das variaveis ambientais
(colunas) por paisagem (linhas)
    var1=seq(10,130,5),
    var2=sample(99:300,size=25),
    var3=rnorm(25,mean=100,sd=45),
    var4=rep(letters[1:5],each=5),
      var5=seq(-130,-10,5)
     )
 colnames(dado.amb)
 rownames(dado.amb) <- letters[1:25]</pre>
# funcao:
 explor.an(dado.sp,dado.amb$var3,tabela=T,graph=T,glm=T,family=poisson)
# funcao: exemplo de variavel nao adequada, COM mensagem de erro
 explor.an(dado.sp,dado.amb$var4,tabela=F,graph=T,glm=F,family=poisson)
```

Last update: 2020/08/12 05_curso_antigo:r2019:alunos:trabalho_final:pvfriedemann:help http://ecor.ib.usp.br/doku.php?id=05_curso_antigo:r2019:alunos:trabalho_final:pvfriedemann:help 09:04

From:

http://ecor.ib.usp.br/ - ecoR

http://ecor.ib.usp.br/doku.php?id=05_curso_antigo:r2019:alunos:trabalho_final:pvfriedemann:help

Last update: 2020/08/12 09:04



http://ecor.ib.usp.br/ Printed on 2025/11/25 00:12